

Динамика про- и эукариотического микробиома соломы при ее разложении на поверхности почвы

О.В. Орлова[✉], Г.В. Гладков, А.О. Зверев, В.М. Шапкин, Т.О. Лисина, Н. Курчак, А.А. Кичко

doi: 10.15389/agrobiology.2025.1.82rus

doi: 10.15389/agrobiology.2025.1.82eng

Рисунок

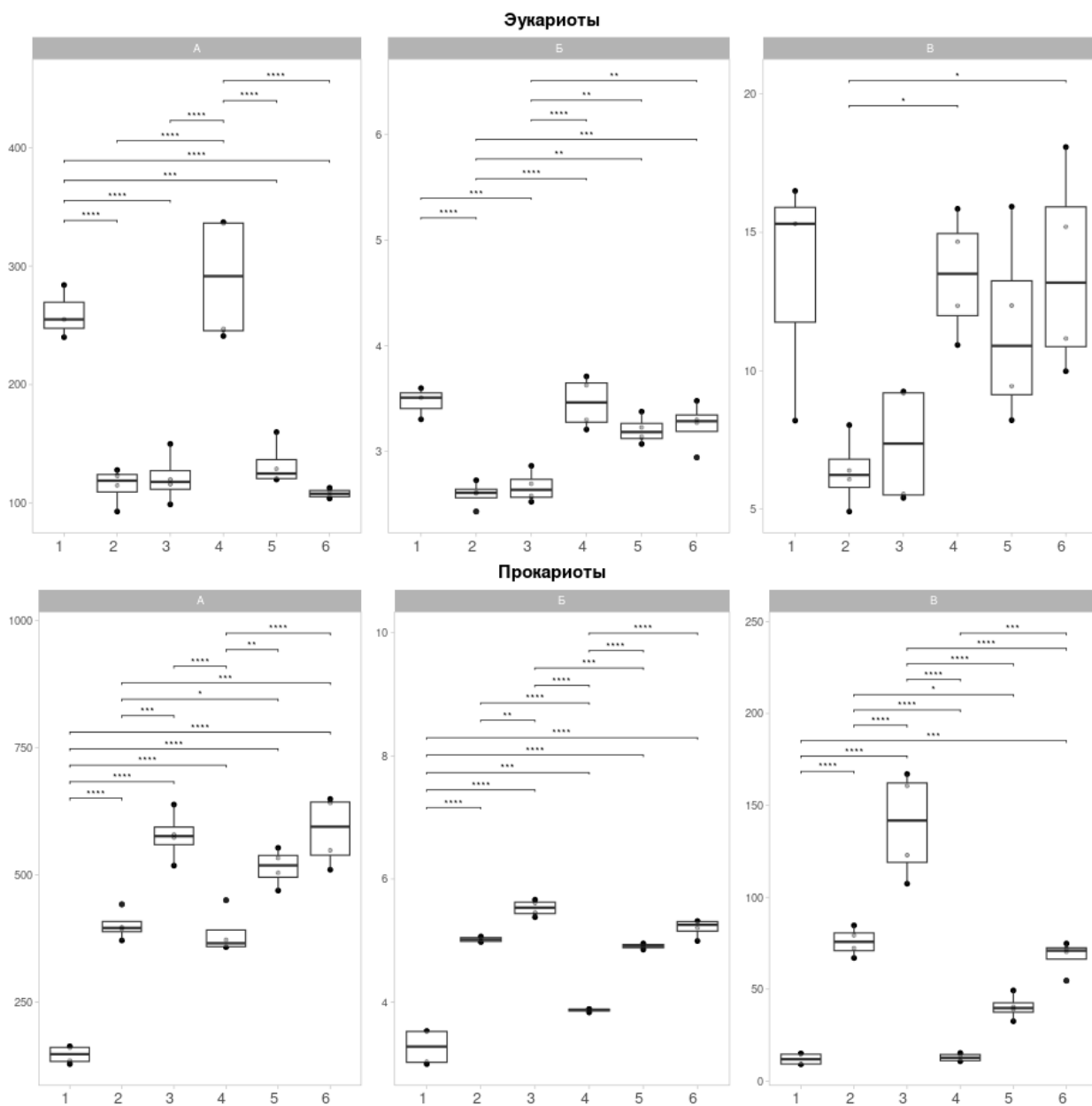


Рис. 2. Индексы альфа-разнообразия — число ASVs (amplicon sequence variants, А), индекс Шеннона (Б), обратный индекс Симпсона (В) для эукариот и прокариот в соломе овса (*Avena sativa* L.) в контроле и при ее обработке БАГС: 1 — солома + N_{мин.} (0-е сут), 2 — солома + N_{мин.} (30-е сут), 3 — солома + N_{мин.} (68-е сут) (контроль); 4 — солома + N_{мин.} + БАГС (0-е сут), 5 — солома + N_{мин.} + БАГС (30-е сут), 6 — солома + N_{мин.} + БАГС (68-е сут) (опыт). Границы бокса с усами — первый и третий квартиль, приведены медианы, максимальные и минимальные значения по выборке (без выбросов). *, **, ***, **** Достоверно различающиеся группы отмечены сверху скобками (p-value соответственно ≤ 0.05 , ≤ 0.01 , ≤ 0.001 , ≤ 0.0001).