

1 **Amplified fragment of nuclear DNA 5'-3' (red letters – primer sequence, green letters – SNP**
2 **polymorphic in collection, blue letters – Kolkhida-specific SNPs)**

3 A2019.Contig37 13624928 2411 + 14348060 - reference sequence

4 <https://db.cngb.org/search/?q=CNP0005366>

5 **AGGTCATTCCAAACAACCCCT**AAAAATTAGTACCAAACCTATGGTCAGTCCGTCCTAATGTATTA
6 GAGGCGAAGGGGAATGATAAGGTGATACAAGA**T**ATGAATTGAGATAAAGAATTTTTGTCCTT
7 AAACAATTATACTTGGAATGTTTTCAATCATCAAAGATAGACCCAAATAATGCTTATGGTTATA
8 CGAAAAATTATTAATAATT**G**TATTTTACTCATGAATTTAGAAATTA**AAA**AAAATTAATAATGTAAA
9 TGTAAGGAAAATGAAAAAATATATTTGTATTTCAATTTCTCTC**G**TATTTCACTTTTCATT
10 TTAAATTCCTACTCTCATAATCTAAACACAAGT**TAC**CCTATTTTGAAA**A**CAACACATTTAATGT
11 ATATTATTTTTTAAAACAACAACACAAAAGTATTA**ACT**TTTTTAGGTCTAAATTA**ACT**TTGTGGC
12 AATATAAAGTTGATAATATTTTCCCAACTTGATATGCCATGTATCACTCTGATTAAGGAAGAGGA
13 TCAAACCAAGTGGAGGAGTTATAATCGTCTGATCTGATTAATTGCGTTAAATGCCATTAGTTTG
14 **ACTAAAGAGGATCATTGCGGTAAATGTCA**

15 A2019 amplified fragment, Sanger

16 CCTAATGTATTAGGCGAAGGGGAATGATAAGGTGATACAAGATATGAATTGAGATAAAGAA
17 TTTTTGTCCTTAAACAATTATACTTGGAATGTTTTCAATCATCAAAGATAGACCCAAATAAT
18 GCTTATGGTTATACGAAAAATTATTAATAATTGTATTTTACTCATGAATTTAGAAATTA
19 AAATTAATAATGTAAATGTAAGGAAAATGAAAAAATATATTTGTATTTCAATTTCTCT
20 CGTATTTCACTTTTCATTTTAAATTCCTACTCTCATAATCTAAACACAAGTTACCTATTTGAA
21 AACACACATTTTAATGTATATATTTTTTAAAACAACAACACAAAAGTATTA**ACT**TTTTTTAG
22 GTCTAAATTA**ACT**TTGTGGCAATATAAAGTTGATAATATTTTCCCAACTTGATATGCCATGTA
23 TCACTCTGATTAAGGAAGAGGATCAAACCAAGTGGAGGAGTTATAATCGTCTGATCTGATTA
24 ATTGCGTTAAATGCCATTAGTTTGACTAAGAGGATCATTGCGGTAA

25

26 Kolkhida.Contig6 1794592 2446 + 3298928 - reference sequence

27 <https://db.cngb.org/search/?q=CNP0005366>

28 ATTTATTTTCAATGCATATTAAGAATTAGTACCAAACCTATGGTCAGTCCGTCCTAATGTATTAGA
29 GGCGAAGGGGAATGATAAGGTGATACAAGA**T**ATGAATTGAGATAAAGAATTTTTGTCCTTAA
30 ACAATTATACTTGGAATGTTTTCAATCATCAAAGATAGACCCAAATAATGCTTATGGTTATACG
31 AAAAATTATTAATAATTTATTTTACTCATGAATTTAGAAATTA**AAAA**AAAAATTAATAATGTAAATG
32 TAAGGAAAATGAAAAAATATATTTGTATTTCAATTTCTCTCATATTTCACTTTTCATTTTA
33 AATTCCTACTCTCATAATCTAAACACAAGTCACCTATTTTGAAACCAACACATTTTAATGTATAT
34 TATTTTTTAAAACAACAACACAAAAGTATTA**ACT**TTTTTTAGGTCTAAATTA**ACT**TTGTGGCAAT
35 AATAAGTTGATAATATTTTCCCAACTTGATATGCCATGTATCACTCTGATTAAGGAAGAGGATCA

36 AACCAAGTGGAGGAGTTATAATCGTCTGATCTGATTAATTGCGTTAAATGCCATTAGTTTGACG
37 AAGAGGATCATTGCGTTAAATGTCA

38 cv. Kolkhida amplified fragment Sanger

39 CCTAATGTATTAGGCGAAGGGGAATGATAAGGTGATACAAGATATGAATTGAGATAAAGAATTT
40 TTGTCCTTAAACAATTATACTTGAAATGTTTTCAATCATCAAAGATAGACCCAAATAATGCTTA
41 TGGTTATACGAAAAATTATTAATAATT**T**TATTTTACTCATGAATTTAGAAATTAATAAAAAATTA
42 ATGTAAATGTAAGGAAAATGAAAAAATATATTTGTATTTTCATTCAATTTCTCTCATATTTCACT
43 TTTCAATTTTAAATTCCTACTCTCATAATCTAAACACAAGT**C**ACCTATTTTGAAA**C**CAACACATT
44 TTAATGTATATTATTTTTTAAACAACAACACAAAAGTATTAACTTTTTTAGGTCTAAATTA
45 TTGTGGCAATATAAAGTTGATAATTTTTCCCAACTTGATATGCCATGTATCACTCTGATTAAGG
46 AAGAGGATCAAACCAAGTGGAGGAGTTATAATCGTCTGATCTGATTAATTGCGTTAAATGCCAT
47 TAGTTTGAC**G**AAGAGGATCATTGCGTTAA

48

49 **Reference sequence of amplified fragment of chloroplast DNA 5'-3' (red letters – primer**
50 **sequences), fragment of 834 bp**

51 (Li, L., Hu, Y., He, M. *et al.* Comparative chloroplast genomes: insights into the evolution of the
52 chloroplast genome of *Camellia sinensis* and the phylogeny of *Camellia*. *BMC Genomics* 22, 138
53 (2021). <https://doi.org/10.1186/s12864-021-07427-2>)

54 **TCCTGAACCACTAGACGATG**GGGGCATACTTGCCCGACCGCCATCATACTATGATCATAG
55 TATGAACAGTTTTTTGAAATTGTCAATATAATGGAATGGTATGATTAGACCCAAGGTCTC
56 TTTCCATTTTTTCAGAAATTCATAATTTTTTTTTTATTTCGTTATTCATGAATTATTCATTATAAT
57 CGCCATTCATTCTATTTCTATTATATATCTATATTAATAGATAGATATAGAAATCTATTATT
58 TTCTAATTTAATAGAATAATAAAAAAAAAAAAAAAAAATAGAAATAGTACGAAAGATAGAATTC
59 CTTCCGGGAGCGATTTGTCCATCAGAAAAGAAAAGAAAGGGGGTTAAATTCCATTTCT
60 TCCACTTTCATTCATTGTTAAGATATGCCTATCTCTATCTCACACTAAGCTAGGAGATTAA
61 CAAACGATAAAGCCGGAAGGGGATCAAGAAGTTAGCGAAAATTGTTTTTCTCTAATA
62 ATAATTTAGTTCCGGGGACAAGTAGAATCCACGATTCGATAAAATAGTTTGAATCTATGT
63 TGAATTGGTAGGTGTACATGGATCAAAAAAGTGAATTTTCGTTCTGATTAAGTCAATAAA
64 AAAAAAAAAAGCAATTAGGGTTCGGCTTTGAAACAATTCATTTTCAGTTTTCTAGACTTGCTA
65 GGTAATCCATTTTCTATTCAAGAATGAGCTACTAATTAGCCACTATGAGTATACTGCATG
66 TACTTATGTATATAATATATGTACATATATCTATTTTATCCACATAGTGATTCATTCAAGAAT
67 TGAATCAAATAGGCCCTTTTAACT**CAGTGGTAGAGTAACGCCAT**

68

69

70 **OBTAINED SEQUENCE – SANGER sequencing (InDel polymorphisms are in green, SNP - blue)**

71

72 A2019

73 AAAAAAAAAAAAAATAGAAATAGTACGAAAGATAGAATTCCTTCCGGGAGCGATTTGTCCATC
74 AGAAAAGAA **AAAGAA**AGGGGGTAAATTCCATTTCTTCCACTTTCATTCATTGTTAAGATATG
75 CCTATCTCTATCTCACACTAAGCTAGGAGATTAACAAACGATAAAGCCGGAAAAGGGGATCAA
76 GAAGTTAGCGAAAATTGTTTTCTCTAATAATAATTTAGTTCCGGGGACAAGTAGAATCCMCG
77 ATTCGATAAAATAGTTTGAATCTATGTTGAATTGGTAGGTGTACATGGATCAAAAAAGTGAATT

78 **T**CGTTCTGATTAAAGTCAATAAAAAAAAAA **!**

79 GCAATTAGGGTCGGCTTTGAAACAATTCATTTCAAGTTTTCTAGACTTGCTAGGTAAATCCATTT
80 TCTATTCAAGAATGAGCTACTAATTAGCCACTATGAGTATACTGCATGTACTTATGTATATAATAT
81 ATGTACATATATCTATTT **T**ATCCACATA

82

83 Kolkhida

84 AAAAAAAAAAAAAATAGAAATAGTACGAAAGATAGAATTCCTTCCGGGAGCGATTTGTCCATC
85 AGAAAAGAA **-----**
86 AGGGGGTAAATTCCATTTCTTCCACTTTCATTCATTGTTAAGATATGCCTATCTCTATCTCACA
87 CTAAGCTAGGAGATTAACAAACGATAAAGCCGGAAAAGGGGATCAAGAAGTTAGCGAAAATT
88 GTTTTTCTCTAATAATAATTTAGTTCCGGGGACAAGTAGAATCCMCGATTTCGATAAAATAGTTT
89 GAATCTATGTTGAATTGGTAGGTGTACATGGATCAAAAAAGTGAATTTTCGTTCTGATTAAAGTC
90 AATAAAAAAAAAA **!**
91 GCAATTAGGGTCGGCTTTGAAACAATTCATTTCAAGTTTTCTAGACTTGCTAGGTAAATCCATTT
92 TCTATTCAAGAATGAGCTACTAATTAGCCACTATGAGTATACTGCATGTACTTATGTATATAATAT
93 ATGTACATATATCTATTTTATCCACATA